MODELO DE RESUMEN DE LA NOTIFICACIÓN DE LA LIBERACIÓN DE ORGANISMOS MODIFICADOS GENÉTICAMENTE DISTINTOS DE LAS PLANTAS SUPERIORES DE ACUERDO CON EL ARTÍCULO 11 DE LA DIRECTIVA 2001/18/CE

A. Información de carácter general:

| .] | Detal | | α | In | noti | †100 | 0101 | n |
|-----|-------|----|----------|----|--------|--------------|------|---|
| | | 15 | | 14 | 11()11 | \mathbf{H} | CIO | |
| | | | | | | | | |

| a) Estado miembro de la notificación: | ESPAÑA | |
|---|----------------------|---|
| b) Número de la notificación: B/ES/18/ | 01 | |
| c) Fecha del acuse de recibo de la | | |
| notificación: 7/03/2018 | | |
| d) Título del proyecto: | | |
| Evaluación de la seguridad y de la ef | icacia de axicabtag | ene ciloleucel en |
| pacientes con neoplasias malignas de | linfocitos B, refrac | tarias o recidivantes. |
| Axicabtagene ciloleucel es una nueva | _ | |
| cáncer, que consiste en modificar/tra | | C |
| un vector retroviral de replicación de | | |
| quiméricos para el antígeno (CAR) a | - | , , |
| sobre los linfocitos B malignos que ex | | |
| e) Período propuesto para la liberación: | | tercer trimestre de 2018 |
| hasta el primer/segundo trimestre de | 2019. | |
| 2. Notificador | | |
| | | |
| Nombre de la institución o empresa: | | |
| Kite Pharma, Inc. | | |
| 2225 Colorado Avenue | 4 EE IIII | |
| Santa Monica, CA 9040 | 4, EE. UU. | |
| 3. Definición de la OMG | | |
| a) Indíquese si el OMG es: | Viroide | П |
| a) malquese si ei OMO es. | Virus ARN | \exists |
| | Virus ADN | \exists |
| | Bacteria | \vdash |
| | Hongo | \vdash |
| | Animal | \vdash |
| | - mamíferos | |
| | | |
| | - insectos | \vdash |
| | - peces | |
| | - otro animal | especifique el |
| Otro especifíquese (roino phylum y | | phylum y la clase Linfocitos T humanos |
| Otro, especifíquese (reino, phylum y clase) | | Limocitos 1 numanos |
| b) Identidad del OMG (género y especi | e) | |
| Linfocitos T CD3+ humanos | transducidos con u | ın vector γ-retroviral de |
| replicación deficiente (Vecto | r PG13-CD19-H3) | para que expresen un |

| el |
|------------------------------|
| el |
| |
| en culo |
| |
| |
| |
| |
| |
| de |
| |
| |
| os T los ital, iede |
| |

- B. Información sobre el organismo receptor o sobre los organismos parentales de los que se deriva el OMG
- 1. Identificación del organismo receptor o parental

| a) Indíquese si el organismo receptor o parental es: | | | | | | |
|--|--|--|--|--|--|--|
| Viroide | | | | | | |
| Virus ARN | | | | | | |
| Virus ADN | | | | | | |
| Bacteria | | | | | | |
| Hongo | | | | | | |
| Animal | | | | | | |
| - mamíferos | | | | | | |
| - insectos | | | | | | |
| - peces | | | | | | |
| - otro animal | (especifique el phylum y la clase): ser humano | | | | | |
| Otros, (especifíqu | iense): | | | | | |
| | | | | | | |
| 2. Nombre | | | | | | |
| i) Orden y taxón s Homo Sapiens | superior (animales): | | | | | |
| ii) Género: | | | | | | |
| iii) Especie: | | | | | | |
| iv) Subespecie: | | | | | | |
| v) Cepa: | | | | | | |
| vi) Patovar (biotipo, ecotipo, raza, etc.): | | | | | | |
| vii) Nombre vulgar: ser humano | | | | | | |

3. Distribución geográfica del organismo

a) Autóctono del país que notifica o establecido en él:

| Sí 🔀 | No | No se sabe |
|-----------------------------------|----------------------------------|---------------------------|
| b) Autóctono de otros pa i) Sí | aíses de la Comunidad o € No⊠ | establecido en ellos: |
| En caso afirmativo, in | ndíquese el tipo de ecosis | tema en que se encuentra: |
| Atlántico Mediterráneo | | |
| Boreal | | |
| Alpino Continental | | |
| Macaronésico | | |
| ii) No | | |
| iii) No se sabe | | |
| | te en el país que notifica? | , |
| Sí 🗌 | No | |
| d) ¿Es frecuente su tener | ncia en el país que notific | a? |
| Sí 🗌 | No | |
| 4. Hábitat natural de | el organismo | |
| a) Si es un microorganis | emo: | |
| Agua | | П |
| Suelo, en libertad | | |
| Suelo, en simobiosis | radiculares de plantas | |
| En simbiosis con sist de plantas | emas foliares o caulinares | s \square |
| En simbiosis con anim | males | |
| Otros, (especifíquen | se): | |
| <u>L</u> | | |

b) Si es un animal, hábitat natural o ecosistema agrícola habitual: ser humano

5.a) Técnicas de detección

Técnicas habituales de los análisis de las células de la sangre.

| Técnicas habituales de los análisis de las células de la sangre. | | | | |
|--|---|--|--|--|
| 6. | | | on arreglo a las normas comunitarias de la salud humana y el medio | |
| | Sí [| | No 🖂 | |
| En c | caso afirmativo, es | pecifíquese: | | |
| 7. | | • | muerto (incluidos sus productos o nocivo de cualquier otra forma? | |
| S | Sí 🗌 | No⊠ | No se sabe | |
| | caso afirmativo Para cuál de los or humanos animales plantas otros | rganismos siguientes?: | | |
| | A de la sección 1 | 1 del anexo III A de la Dir | | |
| | sangre perifé deficiente y a Unidos, fuer (axicabtagene modificados genéticamente obtuvieron. L ambiente ni e Antes de dona los pacientes, alguna de ella llevarse a cab obstante, los l | rica de los pacientes. E exicabtagene ciloleucel (Ca de España. A España de ciloleucel), que contie genéticamente. Los linge no sobreviven fuera as células no son patógen notros organismos. Ar sangre se harán prueb que serán descartados do las pruebas de serologinfocitos T autólogos del | ocitos T autólogos aislados de la l vector retroviral de replicación DMG) se producen en los Estados ña solo llega el producto final ne linfocitos T CAR anti-CD19 focitos T autólogos modificados del cuerpo humano del que se nas, ni persisten ni se replican en el las del VIH y de los VHB y VHC a el ensayo clínico si dan positivo en los centros de aféresis que deben gía viral habituales en la zona. No paciente deben manipularse como afecciosos, puesto que la detección | |

selectiva previa de patógenos de transmisión hemática no es exhaustiva y no es posible descartar por completo la presencia de dichos patógenos.

| a) Tiempo de generación en ecosi | | A la los limocitos 1 numanos |
|---|--|---|
| b) Tiempo de generación en el ec | osistema en el que va | ya a ser liberado: N/A |
| c) Modo de reproducción | Sexual | Asexual |
| d) Factores que afectan a la repro | ducción: | |
| O. Capacidad de supervivenci | ia | |
| a) Capacidad de formar estructura (i) endosporas (ii) quistes (iii) esclerocios (iv) esporas asexuales(hongos) (v) esporas sexuales (hongos) (vi) huevos (vii) pupas (viii) larvas | as que favorezcan la s | upervivencia o el letargo |
| (ix) otras (especifíquense) b) Factores pertinentes que afecta | un a la capacidad de su | inervivencia |
| Para sobrevivir, los linfocitos T medios especiales, temperatura anfitrión (del cuerpo) son sust los linfocitos (temperatura, pH bioquímicas). | Thumanos precisan a y CO ₂ . Las condi ancialmente distinta | una compleja combinación d ciones ambientales fuera de s y no permiten sobrevivir |
| 10.a) Vías de diseminación | | |
| Los linfocitos T humanos solo inyección. No es posible que se rápidamente y porque no existe | diseminen al ambier | nte, porque son desactivados |

| El sistema inmunitario de las personas distintas del donante eliminará el producto de linfocitos T (los linfocitos T modificados genéticamente específicos del paciente). | | | | |
|--|--|--|--|--|
| 11. Modificaciones genéticas previas del organismo receptor o parental de que ya se ha notificado la liberación en el país notificador (se darán números de la notificación) | | | | |
| Ninguna. | | | | |
| C. Información sobre la modificación genética | | | | |
| 1. Tipo de modificación genética: | | | | |
| i) Inserción de material genético | | | | |
| ii)Eliminación de material genético | | | | |
| iii) Sustitución de una base | | | | |
| iv) Fusión celular | | | | |
| v) Otro (especifíquese) | | | | |
| Resultado que se pretende obtener mediante la modificación genética | | | | |
| Axicabtagene ciloleucel es una nueva inmunoterapia adoptiva para el cáncer, en fase de investigación, que consiste en modificar genéticamente los linfocitos T autólogos para que expresen un receptor CAR anti-CD19 transmembranal que se une al antígeno CD19 que se encuentra en la superficie de los linfocitos B malignos. Los linfocitos T modificados con CAR se activan tras la unión con el antígeno CD19, con el resultado de la eliminación del linfocito maligno portador del antígeno CD19. | | | | |
| 3.a) ¿Se ha usado un vector en el proceso de modificación? | | | | |
| Sí No No | | | | |
| En caso negativo, pase a la pregunta 5. | | | | |

| n caso negativo, pase a la pregunta 5 | |
|--|--|
| | 5 |
| Si ha contestado afirmativamen siguiente | nte a la pregunta 3 b), aporte la información |
|) Tipo de vector | |
| Plásmido | |
| Bacteriófago | |
| Virus | \boxtimes |
| Cósmido | |
| Elemento de transposición | |
| Otros (especifíquense): | |
| proteínas accesorias Moloney (MoMLV) gibón (GALV), amba PG13. El segmento p que utiliza las secue del virus de las célula | liza es un vector retroviral híbrido con la gag-pol del virus de la leucemia murina o y la envoltura del virus de la leucemia de as producidas en la estirpe celular de ratórincipal que contiene el transgén es MSGV ncias de repetición terminales largas (LTI as madre murinas (MSCV) y una región ga encia de empaquetamiento para mejorar iral y la expresión del transgén en diferent ches y cols. 2005). Este segmento principal el |
| concentración retrov | |
| concentración retrovi tipos de células (Hug compatible con las pr El vector PG13-CD1 tiene una amplia ga ratas, hámsters, gan humanos (Miller y co | roteínas accesorias retrovirales del MoML' 9-H3 producido en la estirpe celular PG1 ama de hospedadores como las células d ado bovino, gatos, perros, monos y sero |

| Resistencia a los antibióticos Otras, (especifíquense) El vector codifica el CAR anti-CD19 que se expresa en la superficie de la membrana de los linfocitos T transducidos. La expresión del CAR en la superficie celular puede detectarse por citometría de flujo de los linfocitos T transducidos, lo que le confiere un fenotipo identificable. Indique qué gen de resistencia a los antibióticos se inserta: no procede. | | | | |
|---|---|--|--|--|
| e) Fragmentos constituyentes del vector El segmento principal que contiene las secuencias del CAR es MSGV1, que utiliza las secuencias de repetición terminales largas (LTR) del virus de las células madre murinas (MSCV), una región gag ampliada y una señal de encapsidación para mejorar la concentración retroviral y la expresión del transgén en diferentes tipos de células (Hughes y cols. 2005). En el genoma de los linfocitos T transducidos solo se integran como un provirus las LTR y las secuencias contenidas entre ellas. Por consiguiente, este provirus contiene una secuencia 5'LTR que actúa como promotor, una secuencia gag parcial, una señal de encapsidación, una secuencia CAR y una secuencia 3'LTR. | | | | |
| f) Método de introducción del vector e | n el organismo receptor | | | |
| i) transformación | | | | |
| ii) electroporación | | | | |
| iii) macroinyección | | | | |
| iv) microinyección | | | | |
| v) infección | | | | |
| | | | | |
| vi) otros, (especifíquense): trans d | lucción | | | |
| 5. Si las repuestas a C. 3) a) y b) so proceso de modificación? | on negativas, ¿qué método se siguió en el | | | |
| i) transformación | | | | |
| ii) microinyección | | | | |
| iii) macroencapsulación | | | | |
| iv) macroinyección | | | | |
| v) otros, (especifíquense): no pro | cede. | | | |

6. Información sobre el fragmento de inserción:

a) Composición del fragmento de inserción:

El vector PG13-CD19-H3 codifica el CAR anti-CD19. El proceso de transducción mediada por retrovirus sirve para integrar el gen CAR en el genoma del linfocito T.

El plásmido de transferencia MSGV1-FMC63-CD28z se utilizó para generar una línea celular que expresa vector PG13-CD19-H3 de forma constitutiva. Está formado por las secuencias LTR 5' y 3', que flanquean a una secuencia gag parcial, a una señal de encapsidación retroviral y a la secuencia de ADN que codifica el CAR anti-CD19.

El CAR anti-CD19 está constituido por los siguientes dominios, unidos en una sola molécula quimérica:

un dominio de unión específica a la diana formado por un fragmento variable monocatenario (scFv) derivado de anticuerpos específico para el antígeno diana CD19 que se expresa en la superficie de los linfocitos B normales y malignos; los dominios activadores derivados de los linfocitos T humanos CD3-zeta y CD28; y los dominios transmembrana y de bisagra del CD28 humano.

b) Fuente de cada parte constitutiva del fragmento de inserción:

El CAR que se utiliza para producir axicabtagene ciloleucel ha sido diseñado, optimizado y evaluado inicialmente en el departamento de cirugía (Surgery Branch) del NCI (Kochenderfer y cols. 2009, 2010). El fragmento scFv se obtuvo de la región variable del anticuerpo monoclonal anti-CD19 FMC63, que es de origen murino (Nicholson y cols. 1997). El resto de las secuencias del CAR, a saber, los dominios bisagra y transmembrana y los dominios de transducción de señales CD3-zeta y CD28, son todos de origen humano, y se han clonado a partir de linfocitos T humanos. El dominio de transducción de señales de la cadena CD3-zeta es de origen humano y es esencial para intervenir en la activación de los linfocitos T. También está incluido el dominio citoplasmático de la molécula coestimuladora CD28, dado que en modelos murinos y en estudio clínicos se ha demostrado la importancia de la coestimulación mediada por el CD28 para que la supervivencia, la persistencia y la actividad antitumoral de los linfocitos T CAR anti-CD19 sean óptimas (Kowolik y cols. 2006). Los fragmentos de la cadena CD3-zeta y CD28 fueron clonados a partir de linfocitos T humanos en un constructo monocatenario quimérico contiguo, y se insertaron en el plásmido MSGV1.

- c) Función prevista de cada parte constitutiva del fragmento de inserción en el OMG Consulte 6.a. (Composición del inserto) y 6.b. (Procedencia de cada parte constituyente del inserto).
 - Como se indica en 4.e. (Fragmentos que constituyen el vector), la
 integrasa retroviral media en la inserción del genoma viral
 retrotranscrito por su interacción con las dos LTR, lo que da lugar a
 la integración de ambas LTR junto con todas las secuencias
 nucleótidicas que las separan, incluida la del CAR. Una de las LTR
 hace de promotor una vez que el ADN se ha incorporado por
 completo en el genoma del hospedador, y dirige la expresión del
 CAR.
 - Dominio de unión a la diana: en un extremo del CAR hay un dominio de unión específico anti- CD19 que se une a la diana CD19 que se encuentra en la superficie de los linfocitos B normales y malignos. Este dominio se extiende al espacio extracelular (fuera del linfocito T modificado genéticamente), donde es capaz de reconocer a los antígenos diana. El dominio de unión a la diana está formado por un fragmento variable monocatenario, o scFv, derivado de un anticuerpo formado por dominios variables de cadenas pesadas y ligeras unidas por un puente corto. Esto permite que el CAR se exprese como proteína monocatenaria.
 - Dominio transmembrana y bisagra: esta porción media del CAR une el dominio de unión a CD19 con los elementos activadores del interior de la célula. El dominio transmembrana «ancla» el CAR en la membrana de la célula. Además, el dominio transmembrana puede interactuar con otras proteínas transmembranales que potencian la función del CAR. En la región extracelular del CAR, directamente adyacente al dominio transmembrana, se encuentra el domino «bisagra». Esta región del CAR proporcionar flexibilidad estructural para facilitar que la unión del dominio de unión a la diana con el antígeno diana CD19 que se encuentra en la superficie de la célula cancerosa sea óptima.
 - Dominios activadores: localizados en el interior del linfocito T, se trata de dos regiones del CAR responsables de activar el linfocito T tras su unión a la célula diana. El elemento CD3-zeta aporta la primera señal (que es esencial) dentro del linfocito T, y el elemento CD28 aporta una señal coestimuladora adicional que fomenta la supervivencia, la persistencia y la actividad antitumoral del linfocito T (Kowolik y cols. 2006). En conjunto, estas señales desencadenan la activación del linfocito T, con el resultado de que el linfocito T CAR prolifera y destruye directamente a los linfocitos normales y malignos que expresan CD19. Asimismo, la activación de los linfocitos T estimula la secreción local de citocinas y de otras moléculas capaces de reclutar y activar a otras células inmunitarias antitumorales.

| d) Localización del fragmento de inserción en el organismo receptor: | | | |
|--|-----------------------------------|--|--|
| | | | |
| - en un plásmido libre | | | |
| - integrado en el cromosoma | □ La integración del fragmento de | | |

| | inserción en el genoma del huésped suele producirse preferentemente cerca de sitios de inicio de transcripción génica (Aiuti y cols. 2007). |
|---|--|
| - Otros (especifíquer e) ¿Contiene el fragmento conozcan? Sí | nse): de inserción partes cuyo producto o función no se No 🖂 |
| En caso afirmativo, e | specifíquese: |
| D. Información sobre fragmento de inserción | e el organismo u organismos de los que se deriva el (donante) |
| 1. Indíquese si es: | |
| Viroide | |
| Virus ARN | |
| Virus ADN | |
| Bacteria | |
| Hongo | |
| Animal | |
| - mamíferos | \boxtimes |
| - insectos | |
| - peces | |
| - otro animal | (especifique el phylum y la clase): |
| Otros (especifíquense): | |
| 2. Nombre completo | |
| i) Orden y taxón superior (a | animales): Orthoretrovirinae (subfamilia Oncovirinae) |
| ii) Familia (plantas): | |

| iii) Género: γ-retrovirus | |
|---|------------------------|
| iv) Especie: virus de célula madre murina | |
| v) Subespecie: Oncovirinae tipo C (subfami | lia) |
| vi) Cepa: | |
| vii) Cultivar/línea de reproducción: | |
| viii) Patovar: | |
| ix) Nombre vulgar: γ-retrovirus | |
| i) Orden y taxón superior (animales): Primate | es (Familia Hominidae) |
| ii) Familia (plantas): | |
| iii) Género: Homo | |
| iv) Especie: <i>Homo sapiens</i> | |
| v) Subespecie: | |
| vi) Cepa: | |
| vii) Cultivar/línea de reproducción: | |
| viii) Patovar: | |
| ix) Nombre vulgar: Ser humano | |
| 3. ¿Es el organismo vivo o muerto (incluidos apreciablemente patógeno o nocivo de | cualquier otra forma? |
| Sí No No | No se sabe |
| En caso afirmativo, especifíquese (a) ¿para cuál de los organismos siguientes? | humanos |
| (b) ¿están implicadas de alguna forma las sec patógenas o nocivas del organismo? | |

| Sí 🗌 | No 🔀 | No se sabe |
|--|-------------------------------|---|
| En caso afirmativo, propord letra d) del punto 11 de la le | | rtinente de conformidad con la lel Anexo III A: |
| · · | • | on arreglo a normas comunitaria le la salud humana y el medi |
| | tra los riesgos relacion | 0/679/ CEE sobre la protección d ados con la exposición a agente |
| Sí 🗌 | | No 🖂 |
| En caso afirmativo, especiformativo, esp | | ceptor material genético de forma |
| Sí 🗌 | No 🖂 | No se sabe |
| C. Información sobre | el organismo modifica | do genéticamente |
| parental que hayan s genética | sufrido algún cambio c | ípicas del organismo receptor omo resultado de la modificació capacidad de supervivencia se |
| refiere? | | _ |
| Sí 🗌 | No 🔀 | No se sabe |
| Especifíquese | | |
| · · | OMG del receptor en l | o que respecta al modo o índice |
| de reproducción? Sí 🔲 | No 🖂 | No se sabe |
| Especifíquese: | | |
| c) ¿Se diferencia en algo el Sí Especifíquese: | OMG del receptor en l No ⊠ | o que respecta a la diseminación? No se sabe |
| | OMG del receptor en l | o que respecta a la patogenicidad |

| Sí 🗌 | No 🔀 | No se sabe |
|--|---|---|
| Especifíquese: | | |
| 2. Estabilidad genética | del organismo modificado ge | néticamente |
| génica con u T autólogos punto de vis | introducido en los linfo an vector retroviral. Tras la genéticamente modificad sta genético, y el material g al del ADN del receptor. | integración, los linfocitos os son estables desde el |
| · · | nuerto (incluidos sus product geno o nocivo de cualquier f | |
| Sí 🗌 | No 🖂 | No se sabe |
| En caso afirmativo: | | |
| a) ¿Para cuál de los organisi siguientes? | nos Humanos | |
| 2-8 | Animales | |
| | Plantas | |
| | otros | |
| letra A de la sección II y en anexo III A El genoma del vec integrado como un ensamblar partícul la ausencia en esta confieren infectivid el transgén inserta virulencia, secuencia | rtinente especificada en la let el inciso i) del punto 2 de la tor retroviral de replicació provirus en el genoma del as virales nuevas en la célul forma proviral de todas la ad y capacidad de replicacido en el vector retrovira ias codificadoras de citocidióticos ni otros insertos n | fetra C de la sección II del fon deficiente se encuentra linfocito T. No es posible la anfitriona final debido a s proteínas accesorias que ión al retrovirus. Además, l no codifica factores de inas, oncogenes, genes de |
| 4. Descripción de los m | étodos de identificación y de | tección |
| | letectar el OMG en el medio AR en los linfocitos T transd ujo. | |
| _ | dentificar el OMG: er identificado por citome or retroviral se pueden ide | _ |

| 1 | | |
|---|--|--|
| | | |

F. Información sobre la liberación

1. Finalidad de la liberación (incluido todo beneficio ambiental potencial significativo esperado)

Puesto que la mayor parte de los cánceres avanzados se hacen refractarios a los tratamientos convencionales, se precisan nuevas modalidades de tratamiento. La inmunoterapia, que consiste en potenciar una respuesta inmunitaria contra el tumor, es una técnica prometedora para tratar a muchos tipos de cáncer. Los linfocitos T desempeñan un papel importante en la destrucción de las células enfermas por todo el organismo. En estudios con inhibidores de los puntos de control inmunitarios y con linfocitos infiltradores de tumores, se ha demostrado el potencial de los linfocitos T en el tratamiento del cáncer. Los linfocitos T deben poseer la especificidad adecuada por el tumor, estar presentes en número suficiente y tener la capacidad de superar a cualesquiera factores inmunodepresores locales que puedan ser efectivos. Los linfocitos T modificados genéticamente portadores de CAR son un tratamiento prometedor para el cáncer (Kershaw y cols. 2013).

Axicabtagene ciloleucel se produce obteniendo linfocitos T del paciente para manipularlos genéticamente a fin de que reconozcan los antígenos diana que se expresan en la superficie de las células de las neoplasias malignas concretas (Kochenderfer y cols. 2015). La capacidad de manipular genéticamente los linfocitos T humanos y utilizarlos para mediar en la regresión del cáncer en pacientes se ha demostrado en diversos estudios, y ha abierto la posibilidad de tratar a pacientes con gran variedad de tipos de cáncer que expresan el antígeno CD19, como las neoplasias malignas de los linfocitos B.

Los resultados iniciales de los ensayos clínicos que se están llevando a cabo en los Estados Unidos han demostrado que puede tener eficacia antitumoral (Locke y cols. 2015).

No se espera que el tratamiento con axicabtagene ciloleucel tenga efectos en el medio ambiente a largo plazo, ni negativos ni positivos.

2. ¿Es diferente el lugar de liberación del hábitat natural o del ecosistema en el que se utiliza, se mantiene o se encuentra regularmente el organismo receptor o parental?

| Sí 🗌 | No 🖂 |
|------------------------------------|------|
| En caso afirmativo, especifíquese: | |
| | |
| | |

3. Información relativa a la liberación y a la zona circundante

a) Localización geográfica (región administrativa y coordenadas de referencia cuando proceda):

La aféresis tendrá lugar en el Institut Catala d'Oncologia de l'Hospitalet, el Hospital Clínic de Barcelona y el Hospital Universitario de Salamanca.

El producto resultante de la aféresis de cada paciente se enviará a Lonza (PharmaCell) B.V., que se encuentra en Maastricht, Holanda, donde será sometido a un proceso de enriquecimiento linfocitario y congelación, y se enviará a Kite Pharma, Inc. en los Estados Unidos.

La modificación de los linfocitos T de los pacientes con el vector PG13-CD19-H3 que codifica el gen CAR anti-CD19 se hará en Kite Pharma, Inc., que se encuentra en California, Estados Unidos.

El producto, axicabtagene ciloleucel, linfocitos T autólogos modificados genéticamente, fabricado y purificado, volverá a Lonza (PharmaCell) B.V., donde tras su liberación por una persona cualificada, actúa como centro de liberación para todos los países de Europa.

La aféresis, la infusión de axicabtagene ciloleucel y el seguimiento correspondiente se harán en el Institut Catala d'Oncologia de l'Hospitalet, el Hospital Clínic de Barcelona y el Hospital Universitario de Salamanca en estudio de fase 3 sobre el DLBCL.

- b) Área del lugar (m²): **no procede**
 - (i) lugar real de la liberación (m²):
 - (ii) área de liberación más amplia (m²):
- c) Proximidad a biotipos reconocidos internacionalmente o zonas protegidas (incluidos depósitos de agua potable) que pudieran verse afectados:

El único punto afectado será la sala del hospital en la que se lleven a cabo las tareas antedichas. Las medidas de contención que se aplican a la administración de axicabtagene ciloleucel a los pacientes impiden que sea liberado al medio ambiente. Se utilizarán equipos de protección personal para evitar que el personal médico que intervenga en la administración del producto se vea expuesto a axicabtagene ciloleucel.

d) Flora y fauna, incluidos cultivos, ganado y especies migratorias que pueden potencialmente interactuar con el OMG:

no procede

- 4. Método y amplitud de la liberación
- a) Cantidad de OMG que vaya a liberarse:

Axicabtagene ciloleucel es un tratamiento con una sola infusión. El medicamento axicabtagene ciloleucel está formulado para aportar una dosis deseada de 2.0×10^6 linfocitos T anti-CD19 CAR-positivos/kg (±20 %) de peso corporal del paciente.

b) Duración de la operación:

Se espera que el proceso completo de la administración (contando la preparación del sistema de infusión) dure menos de 24 horas.

(c) Métodos y procedimientos para evitar o reducir al mínimo la propagación de los OMG más allá del lugar de liberación:

Kite Pharma facilita un manual del producto en investigación con instrucciones sobe el uso seguro, la manipulación y la eliminación de axicabtagene ciloleucel y de los materiales.

Todo el personal del centro que intervenga recibirá formación sobre las prácticas óptimas que se aplicarán durante la administración y la eliminación de los productos biológicos de todo tipo.

La eliminación de los residuos se hará siguiendo los procedimientos estándar del hospital para la eliminación de residuos biológicos.

5. Descripción resumida de las condiciones ambientales medias (clima, temperatura, etc.)

Las salas de tratamiento del hospital deben contar con las condiciones de higiene necesarias para el tratamiento de pacientes inmunodeprimidos. El medicamento en fase de investigación, axicabtagene ciloleucel, se conserva en nitrógeno líquido en fase de vapor a una temperatura de -150 °C o menos hasta su administración.

6. Datos pertinentes sobre liberaciones anteriores del mismo OMG, si los hubiera, específicamente relacionados a las repercusiones potenciales de la liberación en el medio ambiente y la salud humana

No disponible.

- G. Interacciones del OMG con el medio ambiente y repercusiones potenciales sobre este, si es apreciablemente diferente del organismo receptor o parental
- 1. Nombre del organismo objeto de investigación (si procede)

| i) Orden y taxón superior (animales): ser humano |
|---|
| ii) Familia (plantas): |
| iii) Género: |
| iv) Especie: |

| v) Sub | especies: |
|----------|---|
| vi) Cep | pa: |
| vii) Cu | ltivar/Línea de reproducción: |
| viii) Pa | ntovar: |
| ix) No | mbre vulgar: |
| | Mecanismo previsto y resultado de la interacción entre los OMG liberados y el organismo diana (si procede) |
| | El producto final axicabtagene ciloleucel se administra con la finalidad de tratar las neoplasias malignas de linfocitos B. |
| | Se ha demostrado que actuar sobre el CD19 con linfocitos T que expresan el CAR anti-CD19 es eficaz para eliminar las neoplasias malignas de linfocitos B avanzadas, y que puede suponer un beneficio clínico para pacientes que no responden a ningún otro tratamiento. |
| | Otras interacciones potencialmente significativas con otros organismos en el medio ambiente |
| No se | espera ninguna. |
| | ¿Es probable que se dé una selección posterior a la liberación del OMG como, por ejemplo, una competencia mayor, un carácter más invasivo, etc.? Sí No No No se sabe |
| Especi | fíquese: |
| | Tipos de ecosistemas a los que puede extenderse el OMG desde el lugar de liberación y en los cuales puede quedar establecido |
| e | El OGM no puede extenderse ni establecerse en ningún ecosistema desde l lugar de liberación, excepto los pacientes concretos que reciben ratamiento con el producto axicabtagene ciloleucel autólogo. Para verse |

expuesto a axicabtagene ciloleucel debe recibirse por infusión directa. En

única persona

administración de axicabtagene ciloleucel la

inmunodeprimida que participará será el paciente. Las personas inmunocompetentes eliminarían rápidamente axicabtagene ciloleucel en caso de inyección accidental. Un simple contacto con la sangre de los pacientes tratados no transmitirá axicabtagene ciloleucel, puesto que este se inactiva rápidamente en las condiciones ambientales.

No hay mecanismos conocidos que permitan la diseminación del vector PG13-CD19-H3 de axicabtagene ciloleucel. El vector PG13-CD19-H3 es incompetente para la replicación y no se produce en los linfocitos T humanos. Al mismo tiempo, los linfocitos T humanos no contienen los elementos víricos necesarios para movilizar al vector PG13-CD19-H3. Las partículas retrovíricas que no se han introducido ni han transducido los linfocitos T se eliminan durante el proceso de fabricación y tiene una vida media corta en condiciones de cultivo (Merten 2004). Los vectores retrovíricos son inestables a temperaturas fisiológicas (Higashikawa y Chang 2001; Wikström et al, 2004; Carmo et al, 2006; Carmo et al, 2008), con un promedio de vida a 37 °C que oscila entre las 2 y las 4 horas.

Es más, se realizó un estudio para demostrar la ausencia de cualquier material de vector en axicabtagene ciloleucel. Se extrajo ARN de 5 muestras de lotes de axicabtagene ciloleucel producidos a escala completa y se añadió a una reacción en cadena de la polimerasa cuantitativa de la transcriptasa inversa en un solo paso (RT-qPCR) con cebadores específicos del producto, para detectar copias genómicas del vector PG13-CD19-H3 residual. Las copias genómicas de las 5 muestras estuvieron por debajo del límite de detección. Este estudio demostró que no hay vector PG13-CD19-H3 detectable en el sobrenadante de las 5 muestras de axicabtagene ciloleucel.

Por tanto, se considera que hay un número insignificante, de no ser cero, de partículas extracelulares del vector retrovírico en el producto de axicabtagene ciloleucel infundido al paciente.

6. Nombre completo de los organismos que no son el organismo diana, pero que (teniendo en cuenta la naturaleza del medio ambiente receptor) pueden sufrir accidentalmente daños importantes por la liberación del OMG

| i) Orden y taxón superior (animales): |
|---------------------------------------|
| ii) Familia (plantas): |
| iii) Género: |
| iv) Especie: |
| v) Subespecie: |
| vi) Cepa: |

| vii) Cultivar/línea de reproducción: |
|--------------------------------------|
| |
| viii) Patovar |
| |
| ix) Nombre vulgar: |
| |
| |

7. Probabilidad de intercambio genético en vivo

a) Del OMG a otros organismos del ecosistema de liberación:

Dado que los retrovirus humanos y murinos son distintos, es muy poco probable que se produzca la recombinación con retrovirus endógenos en los linfocitos T. Además, los linfocitos T son incapaces en gran medida de producir viriones infecciosos. Es más, los linfocitos T no pueden sobrevivir fuera del cuerpo humano.

Incluso si hubiese retrovirus naturales en el entorno, su recombinación con el vector γ -retrovírico que codifica el CAR utilizado para modificar los linfocitos T $ex\ vivo$ es sumamente improbable, dado que lo más probable es que la recombinación viable estuviese restringida al virus de la leucemia murina de Moloney (MoMLV) natural, que solo puede infectar células de ratón. La recombinación con otras especies retrovíricas capaces de infectar linfocitos T humanos es poco probable, debido a la deficiente homología entre sus genomas y, en cualquier caso, es poco probable que el CAR confiera ninguna ventaja selectiva al hipotético recombinante.

b) De otros organismos al OMG:

Muy improbable. Ninguna.

c) Consecuencias probables de la transferencia de genes:

Consulte G.7(a) y también:

La consecuencia de la transferencia génica es la integración en el genoma de los linfocitos T de una repetición terminal larga en el extremo 5' (5'LTR) que actúa como promotor, una señal de encapsidación y una secuencia gag parcial, una secuencia CAR y una repetición terminal larga en el extremo 3' (3'LTR). El CAR anti-CD19 se expresará y mostrará en la superficie celular.

La integración es el efecto deseado de la transferencia génica con mediación retrovírica; sin embargo, se ha considerado que implica un riesgo potencial de mutagénesis por inserción, que puede generar una expresión génica de regulación incorrecta y una posterior transformación maligna. Aunque el riesgo de mutagénesis insercional es una posibilidad conocida, solo se ha observado en bebés que recibieron tratamiento para la IDCG (inmunodeficiencia combinada grave) asociada al cromosoma X utilizando transferencia génica mediada por vectores retrovíricos en células de médula ósea CD34+ (Hacein-Bey-Abina et al., 2008). En el caso de la transferencia génica mediada por vectores retrovíricos en linfocitos T maduros, no ha habido pruebas de mutagénesis insercional ni de efectos

tóxicos a largo plazo en ensayos clínicos múltiples con productos de linfocitos T diseñados genéticamente. Aunque Kite considera que el riesgo de mutagénesis insercional es sumamente bajo, se supervisará a los pacientes que participen en ensayos clínicos de axicabtagene ciloleucel y que reciban células transducidas con genes para detectar la posible aparición de acontecimientos adversos relacionados con la terapia génica a largo plazo.

8. Referencias de los resultados pertinentes (si los hay) de estudios sobre el comportamiento y las características del OMG sobre su repercusión ecológica llevados a cabo en ambientes naturales simulados (por ejemplo, microcosmos, etc.)

No se han llevado a cabo más simulaciones, aparte de los ensayos clínicos iniciales que ya se han citado.

9. Posibles interacciones ambientalmente significativas con procesos biogeoquímicos (si son diferentes del organismo receptor o parental)

| Ninguna. | | | |
|----------|--|--|--|
| | | | |
| | | | |

H. Información sobre el seguimiento

1. Métodos de seguimiento de los OMG

La presencia, la expansión, la persistencia y el inmunofenotipo de los linfocitos T CAR anti-CD19 transducidos se supervisarán en la sangre de los pacientes tratados, principalmente por PCR, complementada con citometría de flujo. La expansión y la persistencia en sangre periférica se supervisarán también con una qPCR específica del CAR CD19. Las extracciones de sangre se harán según se indica en el manual del producto en investigación (manual de manipulación del PEI) y en el plan de gestión del riesgo.

Dado que axicabtagene ciloleucel está formado por linfocitos T transducidos con un vector retroviral, se vigilará la presencia retrovirus competentes para la replicación (RCR) en la sangre de los pacientes tratados, de acuerdo con las "Directrices sobre los aspectos clínicos, no clínicos y relacionados con la calidad de los medicamentos para terapia génica (23 de marzo de 2015)" de la EMA.

Se considera que el riesgo de RCR es despreciable. No obstante, en el calendario de evaluaciones del protocolo clínico se indica que se extraerá sangre y se analizará para detectar la presencia de RCR tras la infusión de axicabtagene ciloleucel en los meses 3, 6 y 12 y se tomarán anualmente y durante 15 años muestras de sangre adicionales en el caso de haber dado positivo para la presencia de RCR en los meses 3, 6 o 12.

| 2. | Métodos de seguimiento de las repercusiones en el ecosistema |
|-------|--|
| | |
| No pr | ocede. |
| | |
| | |
| | |
| 2 | |
| 3. | Métodos de detección de la transferencia del material genético donado del |
| | OMG a otros organismos |
| NT. | 1. |
| No pr | rocede. |
| | |
| | |
| | |
| 4. | Tamaño del área de seguimiento (m2) |
| | |
| No pr | ocede. |
| _ | |
| | |
| | |
| _ | |
| 5. | Duración del seguimiento |
| | tendrán muestras de sangre en varios puntos temporales posteriores a la |
| | ón (véase H1). Las muestras de RCR se seguirán recogiendo anualmente |
| | seguimiento a largo plazo (long term follow up, LTFU) durante un máximo |
| ae 15 | años y se analizarán según esté indicado clínicamente. |
| | |
| | |
| 6. | Frecuencia del seguimiento |
| 0. | riecuencia dei seguinnento |
| Logn | acientes se someterán a extracciones de sangre hasta 150 días después de |
| _ | usión y en los meses 9, 12, 18, 24, 36, 48 y 60 en adelante. Las muestras de |
| | se seguirán recogiendo anualmente en el seguimiento a largo plazo |
| | U) durante un máximo de 15 años y se analizarán según esté indicado |
| | amente. |

- I. Información sobre el tratamiento post-liberación y el tratamiento de residuos
- 1. Tratamiento del lugar tras la liberación

Las superficies de trabajo que entren en contacto con el OMG se desinfectarán con una solución de etanol al 70 %. La habitación del hospital se limpiará de acuerdo con las normas institucionales para la limpieza de habitaciones.

2. Tratamiento del OMG tras la liberación

| Ninguna. | | | |
|----------|--|--|--|
| | | | |
| | | | |

3(a) Tipo y cantidad de residuos producidos

Las bolsas vacías y los componentes del sistema de administración utilizados (p. ej., sonda guía, cánula, agujas de inyección y jeringuillas), gasas, equipo de protección personal (p. ej., guantes, etc.) y los componentes utilizados para obtener muestras de líquidos del organismo después de la administración.

3(b) Tratamiento de residuos

Los objetos punzantes, como las agujas, se tirarán en los envases correspondientes y serán incinerados. Los desechos como jeringuillas, sondas, catéteres y deshechos de cirugía (guantes, compresas) se tratarán y eliminarán como residuos biológicos, de acuerdo con los procedimientos estándar del hospital. Los materiales quirúrgicos (herramientas, telas) se autoclavarán antes de lavarlos, o se tratarán y eliminarán como residuos biológicos. El equipo quirúrgico no desechable se limpiará con un desinfectante químico con actividad virucida probada (p. ej., solución de hipoclorito, etanol al 70 %) y después recibirá el tratamiento que sea habitual en el centro.

J. Información sobre planes de actuación en caso de emergencia

1. Métodos y procedimientos de control de la diseminación del OMG o de los OMG en caso de dispersión imprevista

No existe riesgo de que se ocasionen problemas de salud ambiental. Axicabtagene ciloleucel para infusión intravenosa se presentará preparado para la administración. En caso de escape, la zona afectada (delimitada con material absorbente) será descontaminada con desinfectantes adecuados. En todo momento del proceso de administración habrá un kit para derrames disponible. En el manual del producto en fase de investigación se pueden consultar los detalles de la manipulación del PEI, su conservación y los procedimientos de administración; el manual se entregará a los centros en la visita de iniciación (antes del comienzo del estudio).

En caso de exposición accidental, se debe comunicar la siguiente información:

Dado que cualquier vector PG13-CD19-H3 que no se haya integrado en los linfocitos T del paciente se elimina durante el proceso de fabricación, se considera que ni el vector PG13-CD19-H3 utilizado para modificar los linfocitos T del paciente ni el propio producto de axicabtagene ciloleucel se podría inhalar como aerosol. En caso de vertido accidental, se debe lavar la piel contaminada y retirar la ropa contaminada. Estas medidas limitarán la exposición del axicabtagene ciloleucel a personas no previstas. Todos los profesionales sanitarios involucrados en la administración respetarán las prácticas de seguridad para evitar cualquier propagación del producto al medio ambiente. Las superficies y materiales de trabajo que entren potencialmente en contacto con axicabtagene ciloleucel se descontaminarán de acuerdo con los procedimientos higiénicos del hospital/institución, por ejemplo con alcohol al 70 %. En caso de derrame habrá un kit para vertidos disponible, que contiene un revestimiento absorbente y un desinfectante adecuado, como 1000 ppm de cloruro, durante la recepción y administración del producto. Axicabtagene ciloleucel se compone principalmente de linfocitos T que son demasiado grandes para ser absorbidos por vía percutánea. Teniendo en cuenta el tamaño de la cápside proteica (80 nm-100 nm) y el peso (env codifica una proteína de > 70 000 Da) del vector PG13-CD19-H3, no se espera ninguna absorción percutánea (Bos & Meinardi 2000).

2. Métodos de eliminación del OMG o de los OMG de las áreas potencialmente afectadas

Conforme a los requisitos sobre residuos biológicos establecidos por el promotor. Consulte el apartado J.

3. Métodos de eliminación o saneamiento de plantas, animales, suelos, etc. que pudieran ser expuestos al organismo durante la dispersión o después de la misma

No procede, porque no se espera que ni las plantas ni los animales se vean expuestos.

4. Planes de protección de la salud humana y del medio ambiente en caso de que se produzca un efecto no deseable

No procede, salvo la respuesta de emergencia en caso de infección accidental del personal médico, que consiste en desinfectar el punto de inyección y hacer un seguimiento por si aparecen síntomas relacionados con una reacción inmunitaria a axicabtagene ciloleucel.